特別寄稿1

# 水素合成分解酵素・ヒドロゲナーゼの構造化学的研究 応用利用をめざした構造機能相関の解明

兵庫県立大学 大学院生命理学研究科 教授 桶口 芳樹



## 1. はじめに

人類が利用できる化石燃料は楽観的にはあと100年分 くらいは供給され得ると考えられている。しかし二酸化炭 素の排出量制限や原子力エネルギーの廃棄物処理等の現 状の問題を考えると、これらの代替エネルギー源を得るこ とは我々にとって重要な課題である。水素はエネルギー源 として利用しても最終的には水を生成する。水素は宇宙空 間では最も豊富に存在する元素であるが、地球表層では ほとんどが水となっているため大気組成で「H<sub>2</sub>」の濃度は 1ppm 以下である。しかし、太陽エネルギーをうまく使い、 水から水素を分離することができれば、永遠のエネルギー 源として利用も可能であろう。水素を利用した燃料電池は、 既に19 世紀にはその原型が考えられていた。

一方、地球上の酸素濃度が今よりずっと低かった太古の 昔から、水素をエネルギー源とする微生物は存在している。 これらの微生物は、ヒドロゲナーゼとよばれる酵素をもっ ており、水素を利用して生命活動に必要なエネルギー (還 元力)を得ている。また、水素以外の栄養源が得られた場 合には、過剰となったエネルギーをヒドロゲナーゼの逆反 応によって水素として細胞外に放出している。微生物は10 億年以上も前から酵素を使った燃料電池および水素発生シ ステムを利用してきている。このようにヒドロゲナーゼは水 素の分解・合成反応を常温常圧で触媒することから、バイ オ電池や新規の人工燃料電池・水素合成触媒の開発につ ながると期待されている。筆者等は、X 線結晶解析法に よりヒドロゲナーゼの立体構造を解析し、その触媒作用の 構造基盤の解明をめざしてきた。本稿では、多くの種類 が見出されているヒドロゲナーゼの特徴を簡単に紹介した 後、ヒドロゲナーゼの結晶構造から明らかになりつつある 触媒反応機構やある特殊な菌株が有する酸素耐性ヒドロ ゲナーゼの分子機構について概説する。

## 2. ヒドロゲナーゼの分類と性質

ヒドロゲナーゼは、X 線結晶構造解析の結果に基づき、 その活性部位の金属の構成に基づいて [NiFe]、[FeFe]、 [Fe] ヒドロゲナーゼと分類されるのが一般的である<sup>1-4</sup>。 これらは、それぞれ活性部位に Ni と Fe が 1 原子ずつ、 Fe が 2 原子、そして Fe が 1 原子だけから構成されている。 ヒドロゲナーゼの金属活性部位の構造を図1に示す。





[Fe] ヒドロゲナーゼはメタン生成菌にのみ見られ、ある基質の 水素化および脱水素と共役する。L:配位子(酵素の酸化還元 状態で置き変わる、あるいは現時点では詳細が不明なもの)

図1の3種のヒドロゲナーゼのうち、「NiFe」 ヒドロゲ ナーゼは、表1に示すようにゲノム解析結果に基づいてさら に4種のグループに分類されている。細胞内で水素の分 解を触媒するタイプと水素の合成を触媒するタイプ、ある いは両方を触媒するタイプがある。我々の研究室では、標 準タイプ [NiFe] ヒドロゲナーゼ (標準 H2ase、グループ1)、 膜結合性・酸素耐性 [NiFe] ヒドロゲナーゼ (グループ1)、 NAD<sup>+</sup>:H<sub>2</sub>酸化還元酵素(双方向性のNAD<sup>+</sup>還元[NiFe] ヒドロゲナーゼ、NAD<sup>+</sup>-H2ase、グループ3)および、エ ネルギー変換6量体 [NiFe] ヒドロゲナーゼ (Ech-H2ase、 グループ4)等を研究対象としている。NiやFeを含む金 属錯体を微生物の体内で生合成し、それをヒドロゲナーゼ の分子内に埋め込むためには、数種類以上の他のタンパ ク質 (酵素)を必要とし、これらを成熟化タンパク質群とよ ぶ。このようなタンパク質群の協同作用による成熟化の過 程を必要とするため、ヒドロゲナーゼの大量発現系の構築 や組換え体の作成は困難を極める。

グループ	サブ グループ	機能	含有生物
1	-	H <sub>2</sub> -分解 (標準タイプ、膜結合性)	Archaea, Bacteria
2	а	H <sub>2</sub> -分解	Bacteria
	b	H <sub>2</sub> - センシング (ヒドロゲナーゼ転写制御)	Bacteria
3	а	F <sub>420</sub> - リンク	Archaea
	b	2 機能性 NAD (P) - 還元	Archaea, Bacteria
	с	メチルビオロゲン - 還元	Archaea
	d	双方向性 NAD (P) - 還元	Bacteria
4	-	膜結合性 H2-合成	Archaea, Bacteria

表 1 [NiFe] ヒドロゲナーゼの 4 種の グループとそれらのサブグループ

ヒドロゲナーゼの触媒活性は酵素の種類によってかなり 異なるが、水素合成活性は、2,000-10,000 U/mg、水素 分解活性は、5,000-50,000 U/mg (1U は、 $\mu$  molH<sub>2</sub>/min) 程度である。つまり、条件が整えば1モルのヒドロゲナー ゼは、例えばスペースシャトルの液体水素燃料用の外部タ ンクを約2時間程度で満杯にできることになる。もちろん ここでは、酵素を含む液体からの水素の分離や液化、さ らには水素の転送・充填等に関わる時間を一切無視してい る。一般にヒドロゲナーゼは、水素の分解・合成を触媒す る他に、H<sub>2</sub> (D<sub>2</sub>)と D<sub>2</sub>O (H<sub>2</sub>O)の間での同位体交換反応や、 オルト-H<sub>2</sub>/パラ-H<sub>2</sub>の変換(核スピン異性体変換)反応を 触媒することが知られている<sup>5)</sup>。

一般に、ヒドロゲナーゼの金属活性部位に酸素が進入 すれば水素を押しのけて結合してしまう。例えば、[FeFe] ヒドロゲナーゼは、好気的条件下では活性部位が不可逆 的に変性失活する(活性部位が壊れて酵素は元に戻れな い)。この性質は「酸素敏感性(O2-sensitivity)」あるいは「酸 素不安定性 (O<sub>2</sub>-unstability)」とよばれる。一方、ほとん どの [NiFe] ヒドロゲナーゼは、好気的条件下でも変性は 免れて安定な不活性型になる。これは水素等による還元で 再活性化されるものが多く、この性質は「酸素抵抗性(O<sub>2</sub>resistance)」とよばれる。近年、大気中の酸素濃度でも水 素があれば不活性化されない膜結合性[NiFe]ヒドロゲナー ゼが見つかった。この性質は、「酸素耐性(O<sub>2</sub>-tolerance)」 とよばれる。これらの他に、酸素安定性 (O<sub>2</sub>-stability:酸 素抵抗性はあるが、酸素耐性をもつかどうかを明確に確認 されていないもの)という用語もしばしば用いられる。酸素 に対する性質は、Ni-Fe 活性部位の特異な性質 (Ni-A 型、 Ni-B 型、Ni-C 型) に関係する (後述)<sup>6)</sup>。

# 3. [NiFe] ヒドロゲナーゼの分子全体構造および活性部 位の構造と酸化還元状態

最も単純な構造をもつ標準タイプの [NiFe] ヒドロゲナー ゼ (グループ1に属する標準 H2ase) は、2 つのサブユニッ ト (異なるポリペプチド鎖) からなるヘテロ 2 量体構造で 分子量約9万である。Ni-Fe活性部位は、大サブユニッ トに保持され、分子全体のほぼ中心部分に位置している。 標準H2aseは、酵素触媒反応で電子の経路となる鉄硫黄 クラスターを3個もつ。これらは、Ni-Fe活性部位から分 子表面まで約12-13Åの距離をもってほぼ直線上に配置さ れ、活性部位に近いものから、それぞれ近位([4Fe-4S])、 中位([3Fe-4S])、遠位([4Fe-4S])の鉄硫黄クラスターと よばれる(膜結合性ヒドロゲナーゼ等では近位クラスター の構造が異なる)。他に、基質・水素分子が出入りするH<sub>2</sub> 経路とプロトン経路(水素結合ネットワーク)が分子表面か ら活性部位までつながっている(図2)<sup>1,2)</sup>。これらの部品 が最適な位置関係にあって、高効率な触媒反応と電子伝 達およびプロトン伝播が進行する。



# 図 2 硫酸還元菌由来の標準的 [NiFe] ヒドロゲナーゼ (PDB; ID1WUH)の分子構造模式図

標準的 [NiFe] ヒドロゲナーゼは、大サブユニットおよび小サブ ユニットとよばれる2つのポリペプチド鎖で構成される。酵素 分子は Ni-Fe 活性部位 (大サブユニット)、H<sub>2</sub> 経路 (ほぼ大サ ブユニットにある水素のチャネル)、電子伝達経路 (小サブユニッ ト)、プロトン経路 (サブユニット界面)の部品をもつ。近位のク ラスターは、膜結合性の酸素耐性ヒドロゲナーゼでは、[4Fe-3S] タイプである。

活性部位の各酸化還元状態は図**3**のようにまとめられ ている。Ni-Fe 活性部位のNi は、タンパク質中のシステイ ン残基側鎖のS原子4個に配位保持され、これらのうち の2個のS原子は、Fe にも配位して両金属を架橋してい る。Fe にはこれら以外に CN分子2本とCO分子1本が 結合している。酸化型不活性の酵素では、Ni と Fe にさら に両金属を架橋する酸素種と考えられる配位子が結合して 水素の結合を阻止している。活性型酵素のNi(II)の電子 常磁性共鳴(EPR)スペクトルは Ni-C(活性型·水素化還元) とよばれ(図**3**、図 4c)<sup>7)</sup>、最近、超高分解能 X 線結晶 解析によってヒドリド(H<sup>-</sup>)が同定された(図 4c)<sup>8)</sup>。一方、 標準 H2ase の不活性状態の Ni (II) の EPR スペクトルは、 Ni-A (不活性型・酸化) または Ni-B (活性準備型・酸化) とよばれる (図3、図4a、b)。それらの第3ブリッジ配位 子は O<sub>2</sub>/O<sub>2</sub>H または O/OH と報告されているが<sup>9)</sup>、これに は異論もある<sup>10)</sup>。一方、EPR 不活性な Ni (II) については、 Fe に配位している CO や CN 配位子の赤外吸収スペクト ルのバンド位置で区別される (図3の Ni-SU、Ni-SIr、Ni-SIa、もちろん Ni (I) や Ni (II) においても区別可能である)。 この [NiFe] ヒドロゲナーゼの触媒活性サイクルにおいて、 反応が時計回りに進めば水素合成が、また反時計回りに 進めば水素分解が進む<sup>11)</sup>。



## 図3 Ni-Fe 活性部位の各酸化還元状態

通常の触媒活性は、図の左側の Ni<sup>II</sup>-SIa、Ni<sup>II</sup>-C、Ni<sup>II</sup>-R の 3 種類の中間体で反応が進む。空気中で精製した酵素は、右側 下の Ni<sup>II</sup>-A の不活性または Ni<sup>II</sup>-B の活性準備状態となる。酸 素耐性酵素は、空気中でも Ni<sup>III</sup>-B になるのみで Ni<sup>II</sup>-A にはな らない。Ni<sup>III</sup>-A と Ni<sup>II</sup>-B は、それぞれ 1 電子還元で、Ni<sup>II</sup>-SU と Ni<sup>II</sup>-SIr になる。N<sup>II</sup>は、EPR シグナルは観測されないが、 Feの CO や CN 配位子の赤外吸収スペクトルのバンド位置で区 別される。Fe の価数は、常に Fe<sup>II</sup>である。



図 4 Ni-Fe 活性部位の構造 (a): Ni-A 型, (b): Ni-B 型, (c): Ni-C 型

Ni-A では、Ni と Fe の間に  $O_2/O_2H$  が、Ni-B には O/OH が 配位するとされているが、無酸素状態でも Ni-A が生成される ことから Ni-A については異論がある。Ni-C ではヒドリド (H<sup>-</sup>) が配位すると考えられており超高分解能 X 線結晶解析でも示 された<sup>8)</sup>。Ni-A や Ni-B では空気中で酸化された時にシステイン の S 原子が不均一に酸素化されることが多い (a、b)。

#### 4. [NiFe] ヒドロゲナーゼの酸素耐性の分子機構

不活性酸化型で容易に活性化できないNi-Aは、活性 部位に電子の不足した状態で酸化されることによって生成 することが知られている。一方、Ni-Bは十分な電子がある 状態で酸化されて生成し、速やかに再活性化される。両 者は第3ブリッジ配位子の種類が異なると報告されている が、まだ決着していない。酸素耐性をもつ [NiFe] ヒドロ ゲナーゼは Ni-A を示さない。従って、Ni-A にならないこ とは、酸素耐性獲得に重要であると考えられる。酸素耐性 [NiFe] ヒドロゲナーゼの結晶解析からその酸素耐性の分 子機構が明らかになった。酸素耐性酵素の分子全体や活 性部位の構造は標準 H2aseとほとんど変わらない。しかし、 3個の鉄硫黄クラスターのうち近位クラスターが、標準 H2ase に見られる[4Fe-4S]-4Cvs タイプではなく、[4Fe-3S] -6Cys タイプ (図 5) であった<sup>12、13)</sup>。このクラスターによる 酸素耐性の分子機構は次のように説明できる。酸素がな く水素がある状態では、図5左に示すように活性部位で 水素が分解され、得られた電子は、近位-中位-遠位のク ラスター順に流れる。酸素に暴露された時、活性部位は 酸化されて標準 H2ase では強い不活性型の Ni-A になる。 この時、酸素耐性酵素の活性部位は [4Fe-3S]-6Cys クラ スターから余分の電子を取り込み Ni-B になる。なぜなら、 [4Fe-3S] -6Cys のクラスターは構造変化 (図5の Fe2が、 移動して脱プロトンした近傍の主鎖アミド窒素 (Cys26N) と結合する)を起こせるからである。つまり、活性部位に 電子を与えて超酸化状態(図5右)になったクラスターは、 アミド窒素の負電荷によって安定化され得る構造をもって いるわけである<sup>12)</sup>。この時、電子は活性部位に逆流するこ とになる。このアミド窒素は酵素のプロトン経路に含まれ ている可能性があるため、この分子機構はプロトン移動と 共役した電子移動と説明できる。



# 図 5 水素酸化細菌由来の酸素耐性 [NiFe] ヒドロゲナーゼ の還元型 (3AYX) および強制酸化型 (3AYY)の [4Fe-3S] -6Cys クラスターの構造変化による電子の流れ

酸素耐性ヒドロゲナーゼに見出された [4Fe-3S] -6Cys クラス ターは、酵素の触媒活性サイクルではサイコロ型の [4Fe-4S] 型の構造をとる (左側の構造図)。しかし、空気中の O<sub>2</sub> に暴露 され酸化されると [Fe2] が近傍の Cys26 のアミド窒素 (脱プロト ンされている)の方向に動き配位結合をつくる(右側の構造図)。 この時クラスターは、活性部位に電子を逆流させて超酸化状態 になる。酸素耐性酵素は、この[4Fe-3S]-6Cys クラスターから 供給される余分の電子で酸化されても Ni-A にはならず Ni-B に なって、すぐに活性状態に戻ることができる。触媒サイクルと(左 図)と分子内の電子の流れの方向を赤い矢印で示す。Ni-A およ び Ni-B は不活性な状態で、Ni-C、Ni-R および Ni-SIa は触媒 活性状態である(図3参照)。

## 5. ヒドロゲナーゼの応用利用

酸素耐性 [NiFe] ヒドロゲナーゼが発見されたことによ り、ヒドロゲナーゼのバイオ燃料電池としての応用利用が 期待されるようになった<sup>14)</sup>(図6a)。現在燃料電池等に利 用されている触媒は白金コロイド等の希少かつ高価な材料 を使用している。ヒドロゲナーゼやそれを模倣したモデル 化合物(図6b)を利用した新しい電池システムの構築は、 現在の燃料電池が抱える問題の解決策になるかもしれな い。酵素は純度の高くない水素でも利用できるという長所 もあるからである。しかし、酵素電極の実用化にはまだま だ解決すべき問題が多い。大きな表面積をもつ電極素材 の開発、構造に基づいた酵素の電極への吸着配向の最適 化、pH安定性、熱安定性、あるいはさらなる酸素耐性をもっ た変異体酵素の作成、溶液への溶解度の低い水素を高効 率に分解するための三相界面電極の研究等が進んでいる。 現時点では、酵素を使ったバイオ電池は、余剰の電力を 水素に変換するようなゆるやかな反応を進める電極として の利用価値が考えられている。一方、今後水素を主なるエ ネルギー源としていくならば、太陽エネルギーを利用した 水の分解反応で得られる還元力とヒドロゲナーゼの水素合 成反応を組み合わせた方法、つまり、バイオ水素生産シス テムの開発が必要である。



# 図6 ヒドロゲナーゼおよび酵素モデル化合物の電極 としての応用利用の概念図

(a): 酵素電池、(b): 酵素モデル化合物電池システム。酵素電 池システムでは、既に陽極側の酵素 (マルチ銅酸化酵素) は高 効率なものが試作されている。陰極側(ヒドロゲナーゼ) では、 溶解度の低い水素を効率的に分解して電流密度を上げるため の工夫(酵素担持表面積や反応界面表面積の増大) が必要で ある。

# 6. おわりに

持続可能な社会基盤の構築のためにはエネルギー問題 を避けては通れない。これまでにも何度かエネルギー危機 があり、その度に再生可能エネルギーの利用が謳われてき た。しかし、新しい化石燃料が見出される度に、結局経 済効果のみに重点が置かれて代替エネルギー開発のため の研究は大きな進展を見せていない。エネルギー資源の乏 しい我が国が次世代においてエネルギー大国となるために は、水素エネルギー利用のための基礎・応用研究を推進さ せることは特に重要であろう。本稿で述べたように、生物 酵素・ヒドロゲナーゼは、水素合成触媒や生物燃料電池 等の応用が模索されており、酵素の活性部位のモデル化 合物の合成研究やその改良も進んでいる。また、ヒドロゲ ナーゼを担持するための基板として、多孔性ガラスやグラッ シーカーボン等の電極素材の開発や微細加工技術の開発 も進展著しい。しかし、持続可能なエネルギー源として水 素を利用するためには、水素の生成法や利用法の開発に 加えて、貯蔵、運搬等社会インフラの整備も含めて様々な 課題を解決していかねばならない。そのためには、生命お よび物質科学のあらゆる研究分野を統合した水素の科学 を展開していく必要がある。なお、一方で、生物のエネル ギー代謝システムの進化を解明するという基礎生物学的な 見地からも本ヒドロゲナーゼの構造研究は重要であること を末筆ながら付け加えておきたい。

最後になりましたが、2012 年度 ENEOS 水素基金にご 援助いただいたことを改めてお礼申し上げます。貴基金の 取り組みが、水素エネルギー利用のための基礎および応用 科学に身をおく研究者にとって大きな助けになることを信じ て疑いません。ENEOS 水素基金およびその助成を受けら れた方々の今後のご発展をお祈りいたします。

## - 参考文献 -

- 1) Volbeda, A. et al., ; Nature, 373, 580 (1995)
- 2) Higuchi, Y. et al., ; Structure, 5, 1671 (1997)
- 3) Peters, J.W. et al., ; Science, 282, 1853 (1998)
- 4) Shima, S. et al., ; Science, 321, 572 (2008)
- 5) Yagi, T. et al., ; J. Biochem., 73, 1069 (1973)
- 6) Lubitz, W. et al., ; Chem. Rev., 107, 4331 (2007)
- 7) Higuchi, Y. et al., ; Structure, 7, 549 (1999)
- 8) Ogata, H. et al., ; Nature, 520, 571 (2015)
- 9) Ogata, H. et al., ; Structure, 13, 1635 (2005)
- 10) Hamdan, A.A. et al., ; Nat. Chem., Biol. 9, 15-18 (2013)
- Yagi, T. & Higuchi, Y.; Proc. Jpn. Acad., Ser. B 89, 16 (2013)
- 12) Shomura, Y. et al., ; Nature, 479, 253 (2011)
- 13) Fritsch, J. et al., ; Nature, 479, 249 (2011)
- 14) Friedrich, B. et al., ; Curr. Opin. Biotech., 22, 358 (2011)